

Sélection et génétique des maïs population

Objectifs de la formation

Perfectionner sa compréhension et ses compétences en sélection variétale de maïs population (impacts de la génétique, de l'environnement, des pratiques de terrain)

Pré-requis

Producteurs, animateurs, techniciens, chercheurs, enseignants déjà initiés à la culture et à la sélection des maïs population.

Déroulé

Matinée :

1. Tour de table : attentes de chacun/e, niveau de connaissances, pratiques
2. Topo génétique par AgroBioPérigord, avec questions-réponses, sur la base des travaux d'expérimentation AgroBioPérigord & de leurs recherches bibliographiques
3. Topo génétique par Laurent Hazard, avec questions-réponses
 - sélection individuelle/collective et adaptation des variétés aux conditions locales (territoire / ferme)
 - comparaison entre génétique des maïs et des fourragères, liens entre la biologie reproductrice de la plante & les pratiques de sélection

Après-midi :

4. Visite d'une parcelle de sélection en "épis-ligne" :
 - présentation du protocole de sélection
 - remobiliser les questions traitées le matin
5. Retour en salle : réponses aux questions, éclaircissements
6. Bilan / évaluation de la journée de formation

Dates, lieux et intervenants

28 juin 2018

09:15 - 17:30 (7hrs)

Le Mas

42140 Grammond

Laurent Hazard, chercheur agronome à l'INRA SAD
Toulouse

Jérôme Dury, animateur AgroBio Périgord

Carl Waroquiers et Elodie Butin, animateurs-
formateurs ADDEAR 42

Financier(s)



Bulletin d'inscription

Nom _____ Prénom _____

Adresse _____

Courriel _____ Téléphone _____

J'atteste avoir pris connaissance des conditions générales de formation ([Voir la fiche](#))

Infos complémentaires



Durée de la formation 1 jour(s)

Date limite d'inscription 21/06/2018

Tarifs

Non agricole 190€

gratuit pour les agriculteurs éligibles
VIVEA

Plus d'infos sur les conditions € : nous
contacter

Plus de renseignements

Carl Waroquiers

carl.addear.42@orange.fr

ADDEAR de la Loire

4bis rue philibert mottin

42110 FEURS

Repas partagé tiré du sac